

Docket No. 0010-1070-0

IN THE UNITED STATES PATENT AND TRADEMARK OFFICE

IN RE APPLICATION OF: Vitaliy A. LIVSHITS, et al.

GAU:

SERIAL NO: New Application

EXAMINER:

FILED: Herewith

FOR: NOVEL GENE AND METHOD FOR PRODUCING L-AMINO ACIDS

JCS11 U.S. PRO  
09/466935  
12/20/99

REQUEST FOR PRIORITY

ASSISTANT COMMISSIONER FOR PATENTS  
WASHINGTON, D.C. 20231

SIR:

- ☐ Full benefit of the filing date of U.S. Application Serial Number, filed, is claimed pursuant to the provisions of 35 U.S.C. §120.
- ☐ Full benefit of the filing date of U.S. Provisional Application Serial Number, filed, is claimed pursuant to the provisions of 35 U.S.C. §119(e).
- ☒ Applicants claim any right to priority from any earlier filed applications to which they may be entitled pursuant to the provisions of 35 U.S.C. §119, as noted below.

In the matter of the above-identified application for patent, notice is hereby given that the applicants claim as priority:

<u>COUNTRY</u>	<u>APPLICATION NUMBER</u>	<u>MONTH/DAY/YEAR</u>
RUSSIA	98123511	December 23, 1998

Certified copies of the corresponding Convention Application(s)

- ☒ are submitted herewith
- ☐ will be submitted prior to payment of the Final Fee
- ☐ were filed in prior application Serial No. filed
- ☐ were submitted to the International Bureau in PCT Application Number .  
Receipt of the certified copies by the International Bureau in a timely manner under PCT Rule 17.1(a) has been acknowledged as evidenced by the attached PCT/IB/304.
- ☐ (A) Application Serial No.(s) were filed in prior application Serial No. filed ; and  
(B) Application Serial No.(s)
- ☐ are submitted herewith
- ☐ will be submitted prior to payment of the Final Fee

Respectfully Submitted,

OBLON, SPIVAK, McCLELLAND,  
MAIER & NEUSTADT, P.C.

MARVIN J. SPIVAK

REGISTRATION NUMBER 24,618

Norman F. Oblon

Registration No. 24,618

Fourth Floor  
1755 Jefferson Davis Highway  
Arlington, Virginia 22202  
Tel. (703) 413-3000  
Fax. (703) 413-2220  
(OSMMN 11/98)



РОССИЙСКОЕ АГЕНТСТВО ПО ПАТЕНТАМ И ТОВАРНЫМ ЗНАКАМ  
(РОСПАТЕНТ)

ФЕДЕРАЛЬНЫЙ ИНСТИТУТ ПРОМЫШЛЕННОЙ СОБСТВЕННОСТИ

U.S. PTO  
09/466935



рег. No 20/14-47

16 февраля 1999 г.

### СПРАВКА

Федеральный институт промышленной собственности Российского Агентства по патентам и товарным знакам настоящим удостоверяет, что приложенные материалы являются точным воспроизведением первоначального описания, формулы и чертежей (если имеются) заявки на выдачу патента на изобретение N 98123511, поданной в декабре месяце 23 дня 1998 года.

**Название изобретения:** Фрагмент ДНК rhtC, кодирующий синтез белка RhtC, придающего повышенную устойчивость к L-треонину бактериям *Escherichia coli*, и способ получения L-аминокислот.

**Заявитель (и):** Государственный научно-исследовательский институт генетики и селекции промышленных микроорганизмов (ГНИИГенетика).

**Действительный авторы:** ЛИВШИЦ Виталий Аркадьевич,  
ЗАКАТАЕВА Наталья Павловна,  
АЛЕШИН Владимир Веняминович,  
БЕЛАРЕВА Алла Валентиновна,  
ТОКМАКОВА Ирина Львовна.



Уполномоченный заверить копию  
заявки на изобретение

Г.Ф.Востриков  
Заведующий отделом

98123511

МПК<sup>6</sup> C12 N 1/20

C12 P 13/06

C12 P 13/08

ФРАГМЕНТ ДНК *rhtC*, КОДИРУЮЩИЙ СИНТЕЗ БЕЛКА *RhtC*, ПРИДАЮЩЕГО  
ПОВЫШЕННУЮ УСТОЙЧИВОСТЬ К L-ТРЕОНИНУ БАКТЕРИЯМ *ESCHERICHIA*  
*COLI*, И СПОСОБ ПОЛУЧЕНИЯ L-АМИНОКИСЛОТ

Настоящее изобретение относится к биотехнологии и, в частности, касается способа получения аминокислот, а именно L-гомосерина, L-треонина, L-валина, или L-лейцина с помощью бактерий, принадлежащих к роду *Escherichia*.

В качестве ближайшего аналога может быть рассмотрен фрагмент ДНК, кодирующий ген *rhtA*, связанный с устойчивостью бактерий к L-гомосерину и L-треонину на минимальной среде, а также полученные на основе использования мутации этого гена *rhtA23* (ранее обозначавшейся как *thrR*) штаммы *Escherichia coli*, продуцирующие L-треонин (Авторское свидетельство СССР № 974817; Астаурова и др., Прикладная биохимия и микробиология, т.21, стр.611 – 616, 1985), или L-гомосерин и L-глутаминовую кислоту (Астаурова и др. Прикладная биохимия и микробиология, т. 27, стр. 556-561, 1991).

Ген *rhtA* дикого типа обеспечивает устойчивость к L-гомосерину и L-треонину, если он клонирован в мультикопийной плазмиде, и повышение его экспрессии повышает продукцию аминокислот бактериями, принадлежащими к роду *Escherichia*, и способными продуцировать L-треонин, L-лизин, L-валин, или L- аргинин. Было обнаружено, что мутация *rhtA 23* расположена на 18 минуте карты хромосомы *E.coli*, а ген *rhtA* идентифицирован как *ogl*, открытая рамка считывания, локализуемая между генами *rexB* и *ompX*. Генетическая структура, экспрессирующая белок,

кодируемый *orf1*, была обозначена как ген *rhtA* (*rht* – *resistance to homoserine and threonine* - устойчивость к гомосерину и треонину). Ген *rhtA* включает 5'-некодирующую область, в том числе SD-последовательность, саму открытую рамку считывания, *orf1*, и терминатор. Мутация *rhtA23* изменяет нуклеотид, непосредственно предшествующий инициаторному кодону ATG и повышает экспрессию гена *rhtA* (ABSTRACTS of 17th International Congress of Biochemistry and Molecular Biology in conjugation with 1997 Annual Meeting of the American Society for Biochemistry and Molecular Biology, San Francisco, California August 24-29, 1997, №457).

В процессе клонирования гена *rhtA* обнаружено, что существуют, по крайней мере, два участка на хромосоме *E. coli*, которые в мультикопийном состоянии сообщают клеткам устойчивость к L-гомосерину и L-треонину. Один из них – это ген *rhtA*. Как оказалось, другой ген, *rhtB*, сообщает клеткам *E. coli* устойчивость только к L-гомосерину (Заявка на выдачу патента в России. №. 98118425)

Задачей настоящего изобретения является повышение уровня накопления аминокислот клетками бактерий рода *Escherichia*, продуцирующими L-гомосерин, L-треонин, L-валин или L-лейцин.

Поставленная задача решается получением фрагмента ДНК *rhtC*, кодирующего синтез белка *RhtC*, придающего повышенную устойчивость к L-треонину бактериям *E. coli*, и конструированием на его основе штаммов, позволяющих разработать способ получения аминокислот с повышенным выходом целевой аминокислоты.

Предметом настоящего изобретения являются:

1. Бактерии, принадлежащие к роду *Escherichia*, у которых устойчивость к L-треонину повышена вследствие увеличения в клетках бактерий активности белка, характеризующегося одним из двух свойств (А) или (Б):

А – белок, который состоит из аминокислотной последовательности № 2 (Фиг.2) ; или

Б – белок, который состоит из аминокислотной последовательности, включающей также делеции, замены, вставки или добавки из одной или нескольких аминокислот к последовательности №2 и который имеет активность обеспечивающую бактериям, содержащим этот белок, повышенную устойчивость к L-треонину;

2. Бактерии по п.1, у которых устойчивость к L-гомосерину повышена путем увеличения в клетках бактерий активности белка, характеризующегося одним из двух свойств (С) или (Д):

(С) – белок, который состоит из аминокислотной последовательности №4 (Фиг.4); или

(Д) - белок, который состоит из аминокислотной последовательности, включающей также делеции, замены, вставки или добавки из одной или нескольких аминокислот к последовательности №4 и который имеет активность обеспечивающую бактериям, содержащим этот белок, устойчивость к L-гомосерину;

(3). Бактерии по п. (1) или (2) где активность белка, определяемого по свойствам (А) или (Б) повышена в результате трансформации бактерий с помощью ДНК, кодирующей белок, имеющий свойства. (А) или (Б);

(4). Бактерии по п. (2) где активность белка, имеющего свойства. (С) или (Д) повышена путем трансформации бактерий с помощью ДНК, кодирующей белок, имеющий свойства. (С) или (Д);

(5). Способ получения аминокислот, включающий этап культивирования бактерий, соответствующих любому из пунктов с 1 по 4, и обладающих способностью к продукции аминокислот, в культуральной среде, обеспечивающей продукцию и накопление соответствующей аминокислоты в этой среде, и выделения накопившейся аминокислоты из этой среды.

(6). Способ по п. 5, где аминокислота является одной из аминокислот в группе, состоящей из L-гомосерина, L-треонина, и аминокислот с разветвленной цепью;

(7). Способ по п. (6), где аминокислотами с разветвленной цепью являются L-валин или L-лейцин.

ДНК, кодирующая белок, определяемый выше по п. (А) или (Б) может рассматриваться как ген *rhtC*, а белок, кодируемый геном *rhtC* может рассматриваться как “белок RhtC”. ДНК, кодирующая белок, определяемый выше по п. (С) или (Д) может рассматриваться как ген *rhtB*, а белок, кодируемый геном *rhtB* может рассматриваться как “белок RhtB”. Активность белка RhtC, которая участвует в придании бактериям устойчивости к L-треонину (т.е. активность которая делает бактерии, имеющие белок RhtC, устойчивыми к L-треонину), может рассматриваться как «Rt активность» (от слов Resistance to threonine -устойчивость к треонину), а активность белка RhtB которая участвует в придании бактериям устойчивости к L-гомосерину (т.е. активность которая делает бактерии, имеющие белок RhtB, устойчивыми к L-гомосерину), может рассматриваться как «Rh активность» (от слов Resistance to homoserine -устойчивость к гомосерину),

Структурные гены, кодирующие белок RhtC и белок RhtB обозначены, соответственно, как «структурный ген *rhtC*» или. «структурный ген *rhtB*» Термин «повышение Rt активности или Rh активности» означает придание клеткам устойчивости к L-треонину или L-гомосерину, или повышение этой устойчивости либо путем увеличения числа молекул белка RhtC или белка RhtB. или увеличением специфической активности этих белков, или нарушением негативной регуляции экспрессии или активности этих белков и т.п. Термин “ДНК, кодирующая белок”, обозначает двунитевую ДНК, одна из нитей которой кодирует белок. Устойчивость к L-треонину означает свойство бактерий расти на минимальной среде, содержащей L-треонин в концентрации, при которой штамм дикого типа, несущий природный аллель гена *rhtC*, не может расти, обычно это >30 мг/мл. Устойчивость к L-гомосерину означает свойство бактерий расти на минимальной среде, содержащей L-гомосерин в



концентрации, при которой штамм дикого типа, несущий природный аллель гена *rhtB*, не может расти, обычно это  $>5$  мг/мл. Способность продуцировать аминокислоту означает свойство бактерий синтезировать и накапливать аминокислоту в культуральной среде в количестве большем, чем штаммы дикого типа.

В соответствии с настоящим изобретением устойчивость к высоким концентрациям L-треонина, или L-треонина и L-гомосерина может быть придана бактериям, принадлежащим к роду *Escherichia*, способным продуцировать аминокислоты, в частности, L-гомосерин, L-треонин, L-валин, или L-лейцин.

Настоящее изобретение представляет собой фрагмент ДНК (ген *rhtC*), кодирующий белок с Rt-активностью, и имеющий аминокислотную последовательность, представленную на фиг.2 (“Аминокислотная последовательность белка RhtC”). В частности, этот фрагмент может быть представлен нуклеотидной последовательностью включающий нуклеотиды от 187 по 804 в нуклеотидной последовательности №1 (см. формулу изобретения).

Второй фрагмент ДНК, используемый в настоящем изобретении, (ген *rhtB*), кодирующий белок с Rh-активностью, и имеющий аминокислотную последовательность, представленную на фиг.4 (“Аминокислотная последовательность белка RhtB”). В частности, этот фрагмент может быть представлен нуклеотидной последовательностью, включающей нуклеотиды от 557 по 1171 в нуклеотидной последовательности №3 (Фиг.3).

Ген *rhtB*, имеющий нуклеотидную последовательность, указанную в Последовательности №3, соответствует части последовательности, которая комплементарна последовательности M87049, имеющейся в базе данных GenBank и включает известную предполагаемую открытую рамку считывания  $\tau$ 138 (нуклеотиды с 61959 по 61543 в последовательности M-87049), функция которой неизвестна, и которая расположена на хромосоме *E.coli* в районе 86,8 минуты карты, а также 201



нуклеотид проксимальнее f138. Необходимо отметить, что открытая рамка считывания f138 только со 160 5'-фланкирующими нуклеотидами не обеспечивает устойчивости к L-гомосерину. Оказалось также, что указанная последовательность выше f138 не содержит стоп-кодона в рамке f138. Кроме того, одному из ATG кодонов в этой последовательности предшествует участок связывания с рибосомами (SD-последовательность, нуклеотиды с 62171 по 62166 в M87049). Эта удлинненная открытая рамка считывания (нуклеотиды 62160-61546) и представляет собой структурный ген *ghtB*.

Ген *ghtB* получают либо путем инфицирования лизогенного по Mucts штамма *E.coli* лизатом фазмиды миниMu d50005, как это описано Гройсманом с соавт. (Groisman et al. J. Bacteriol., 158, 357-364, 1986) с последующим выделением плазмидной ДНК из колоний, выросших на минимальной среде, содержащей 40 мкг\мл канамицина и 10 мг\мл L-гомосерина, либо из хромосомы *E.coli* путем гибридизации колоний, или с помощью полимеразной цепной реакции (ПЦР) (White et al., Trends Genet., 5, ,185, 1989), используя олигонуклеотид(ы), имеющие последовательность, соответствующую участку в районе 86 минуты хромосомы *E.coli*.

Другой подход предполагает синтез олигонуклеотида на основе последовательности №3. Используя олигонуклеотиды, имеющие последовательность, соответствующую участку ДНК, который расположен проксимальнее нуклеотида No.557, и участку ДНК, который расположен дистальнее нуклеотида No.1171 в последовательности № 3 в качестве праймеров для ПЦР, можно амплифицировать всю кодирующую область.

Синтез олигонуклеотидов осуществляют обычным методом, например с помощью фосфоамидитного метода (см. Tetrahedron Letters, 22, 1859, 1981), с использованием коммерческого ДНК-синтезатора (например, ДНК синтезатора модели 380B, производимого Applied Biosystems). ПЦР осуществляют с использованием

коммерчески доступных аппаратов для ПЦР (например, ДНК-термоциклера, модель PG 2000, производимого компанией Takara Shuzo Co., Ltd) с применением Taq ДНК полимеразы в соответствии с методикой, описанной поставщиком фермента.

Ген *rhtC* соответствует уточненной, как это описано ниже, последовательности o128 (нуклеотиды No.60860 – 61480 в последовательности M87049, имеющейся в базе данных GenBank) которая расположена на участке хромосомы, прилежащем к гену *rhtB*. Его получают одновременно с геном *rhtB*, как это показано в примере 1, путем инфицирования лизогенного по Mucts штамма *E.coli* лизатом фазмиды миниMu d50005, как это описано выше, с последующим выделением плазмидной ДНК из колоний, выросших на минимальной среде, содержащей 40 мкг/мл канамицина и 50 мг/мл треонина. Другой подход предполагает синтез олигонуклеотидов на основе последовательности №1 описанным выше методом и использования их для гибридизации или в ПЦР. Используя олигонуклеотиды, имеющие последовательность, соответствующую участку ДНК, который расположен проксимальнее нуклеотида No.187, и участку ДНК, который расположен дистальнее нуклеотида No.804 в последовательности № 1 в качестве праймеров для ПЦР, можно амплифицировать всю кодирующую область.

ДНК, кодирующая белок *RhtB* по настоящему изобретению, может кодировать белок *RhtB* включая делеции, замены, инсерции или добавки одной или нескольких аминокислот в одной или нескольких позициях, не нарушающих при этом *Rh*-активность белка *RhtB*. Точно так же, ДНК, кодирующая белок *RhtC* по настоящему изобретению, может кодировать белок *RhtC* включая делеции, замены, инсерции или добавки одной или нескольких аминокислот в одной или нескольких позициях, не нарушающих при этом *Rt*-активность белка *RhtC*.

ДНК, кодирующая по существу тот же белок, что и *RhtB*, или тот же белок что и *RhtC*, описанные выше, может быть получена, например, путем модификации

нуклеотидной последовательности, в частности при помощи сайт-направленного мутагенеза, так что один или более аминокислотный остаток будет делетирован, заменен, вставлен или добавлен. ДНК, модифицированная описанным выше способом, может быть получена известными методами с помощью мутационных воздействий. Мутационная обработка включает методы обработки ДНК, кодирующей белок RhtB или белок RhtC, *in vitro*, например, при помощи гидроксилamina, или методы обработки микроорганизма, в частности, бактерий, принадлежащих к роду *Escherichia* и несущих ДНК, кодирующую белок RhtB или белок RhtC, УФ облучением или мутагенными агентами, такими как N-метил-N'-нитро-N-нитрозогуанидин (НГ) или азотистая кислота, которые обычно используется для индукции мутаций.

ДНК, кодирующую указанные варианты белка RhtB или RhtC, отбирают путем экспрессии плазмидной ДНК, несущей гены *rhtC* или *rhtB* и подвергнутой *in vitro* мутагенному воздействию, как описано выше, в соответствующих клетках с последующим определением их устойчивости к L-треонину или L-гомосерину и отбором ДНК, которая обеспечивает эту устойчивость. Изобретение относится также к вариантам белка RhtC, которые встречаются в разных видах, штаммах и вариантах бактерий рода *Escherichia* и обусловлены природным разнообразием. ДНК, кодирующие эти варианты, и гибридизуются в жестких условиях с ДНК, имеющей нуклеотидную последовательность от нуклеотида 187 по 804 нуклеотид в последовательности №1.

Аналогичным образом, изобретение относится также к вариантам белка RhtB, которые встречаются в разных видах, штаммах и вариантах бактерий рода *Escherichia* и обусловлены природным разнообразием. ДНК, кодирующие эти варианты, и гибридизуются в жестких условиях с ДНК, имеющей нуклеотидную последовательность от нуклеотида 557 по 1171 нуклеотид в последовательности №3. Термин «жесткие условия» означает здесь условия, при которых так называемая

специфическая гибридизация происходит, а неспецифическая не происходит. Трудно четко выразить эти условия с помощью каких-то цифровых значений, однако например, жесткие условия включают условия, при которых ДНК, имеющие высокую гомологию, например, не менее 70% гомологии по отношению друг к другу - гибридизуются, а ДНК, имеющие гомологию ниже указанной – нет.

В настоящем изобретении рассматривают бактерии, принадлежащие к роду *Escherichia*, представленные здесь *E.coli*, у которых Rt активность повышена. Кроме того, настоящее изобретение включает бактерии *E. coli*, у которых также повышена Rh-активность.

Повышение Rt-активности происходит, например, за счет амплификации числа копий структурного гена *ghtC* в клетках при трансформации их рекомбинантной ДНК, в которую включен фрагмент, содержащий структурный ген *ghtC*, кодирующий белок RhtC, лигированный с промоторной последовательностью, которая эффективно функционирует в бактериях рода *Escherichia*. Rt-активность может быть также повышена в результате замены промоторной последовательности гена *ghtC* на хромосоме промоторной последовательностью, которая более эффективно функционирует в бактериях рода *Escherichia*.

Повышение Rh-активности происходит, например, за счет амплификации числа копий структурного гена *ghtB* в клетках при трансформации их рекомбинантной ДНК, в которую включен фрагмент, содержащий структурный ген *ghtB*, кодирующий белок RhtB, лигированный с промоторной последовательностью, которая эффективно функционирует в бактериях рода *Escherichia*. Rh-активность может быть также повышена в результате замены промоторной последовательности гена *ghtB* на хромосоме промоторной последовательностью, которая более эффективно функционирует в бактериях рода *Escherichia*.

Амплификация числа копий структурного гена *rhtC*, или структурного гена *rhtB* в клетках может быть осуществлена также путем введения мультикопийного вектора, который несет структурный ген *rhtC* или структурный ген *rhtB*, в клетки бактерий, принадлежащих к роду *Escherichia*. В частности, число копий может быть увеличено путем введения плазмиды, фага или транспозона (Berg, D.E. and Berg, C.M., *Bio/Technol.*, 1, 417, 1983), содержащих структурный ген *rhtC* или структурный ген *rhtB*, в клетки бактерий, принадлежащих к роду *Escherichia*. Мультикопийные вектора могут представлены плазмидными векторами, такими как pBR322, pMW118, pUC19 или подобными, или фаговыми векторами, такими как  $\lambda$  1059,  $\lambda$  BF 101, m13MP9 или подобными. Транспозоны могут быть представлены фагом Mu, транспозонами Tn10, Tn5 или подобными. Введение ДНК в бактерии, принадлежащие к роду *Escherichia*, может быть осуществлено, например, с помощью метода Моррисона (*Methods in Enzymology.*, 68, 326, 1979) или метода, в котором реципиентные клетки бактерий подвергают воздействию хлористого кальция для увеличения их проницаемости по отношению к ДНК (Mandel and Higa, *J. Mol. Biol.*, 53, 159, 1970) или другими подобными методами.

Обнаруженную связь между повышением Rt-активности, а также одновременным повышением Rt-активности и Rh-активности и способностью бактерий рода *Escherichia* увеличивать продукцию L-аминокислот изобретатели используют для получения штаммов, обладающих повышенной продуктивностью аминокислот. При этом возможны два варианта:

1. Признак повышенной Rt-активности, или одновременно повышенной Rt-активности и Rh активности, вводят в штаммы, уже способные продуцировать желаемые аминокислоты.

2. Способность к продукции аминокислот придается штаммам, у которых повышена.

Rt-активность или одновременно повышены Rt-активность и Rh-активность.

Сконструированные на основе амплификации фрагмента ДНК *rhtC* штамм *E. coli* MG442/pRhtC – продуцент гомосерина, штамм *E. coli* MG442/pVIC40, pRhtC – продуцент треонина и штаммы *E. coli* NZ10/pRhtBC и *E. coli* NZ10/pRhtB, pRhtC – продуценты гомосерина, валина и лейцина способны к повышенной продукции указанных аминокислот по сравнению со штаммами, не содержащими амплифицированного фрагмента ДНК *rhtC*.

Новые штаммы депонированы во Всероссийской коллекции промышленных микроорганизмов. Штамм *E. coli* MG442/pRhtC депонирован под номером ВКПМ В-7700; штамм *E. coli* MG442/pVIC40, pRhtC депонирован под номером ВКПМ В-7680; штамм *E. coli* NZ10/pRhtB, pRhtC депонирован под номером ВКПМ В-7681 и штамм *E. coli* NZ10/pRhtBC депонирован под номером ВКПМ В-7682

Штамм *E. coli* MG442/pRhtC (ВКПМ В-7700) имеет следующие культурально-морфологические и биохимические признаки.

Морфология клеток. Грамотрицательные слабоподвижные палочки с закругленными концами, 1,5-2,0 мкм в длину.

Культуральные признаки.

Мясо-пептонный агар. Через 24 часа роста при 37° С образует круглые беловатые полупрозрачные колонии диаметром 1,5 - 3,0 мм; поверхность колоний гладкая, края ровные или слегка волнистые, центр колоний приподнят, структура однородная, консистенция пастообразная, легко эмульгируется.

Агар Лурия. Через 24 ч роста при 37° С образует колонии образует беловатые полупрозрачные колонии диаметром 1,5 - 2,5 мм; поверхность колоний гладкая, края ровные, структура однородная, консистенция пастообразная, легко эмульгируется.

Агаризованная Среда Адамса.

Через 40 - 48 ч роста при 37° С образует колонии диаметром 0,5 - 1,5 мм; серовато-белые полупрозрачные, слегка выпуклые с блестящей поверхностью. В присутствии L-

изолейцина (0,1-0,5 г/л) рост стимулируется и аналогичные колонии образуются через 18-20 ч.

Рост в мясо-пептонном бульоне. После 24 ч роста - сильное равномерное помутнение, характерный запах.

Физиолого-биохимические признаки.

Рост по уколу в мясо-пептонном агаре. Хороший рост по всему уколу. Микроорганизм является факультативным анаэробом.

Желатину не разжижает.

Рост на молоке хороший с коагуляцией молока.

Индол не образует.

Отношение к температуре. Растет на мясо-пептонном бульоне при температурах 20 – 42° С. Оптимальной температурой для роста является температура 33- 37° С.

Отношение к pH среды. Растет на средах с pH от 6,0 до 8,0. Оптимальное значение pH - 7,2.

Отношение к источникам углерода. Хорошо растет на глюкозе, фруктозе, лактозе, маннозе, галактозе, ксилозе, глицерине, манните с образованием кислоты и газа.

Отношение к источникам азота. Усваивает азот в форме аммония, нитратов, а также азот некоторых органических соединений.

Устойчив к ампициллину.

Содержание плазмид. Клетки содержат многокопийную гибридную плазмиду pRhtC, несущую ген ghtC, сообщающий клеткам устойчивость к L-треонину (50 мг/мл) и детерминант устойчивости к ампициллину.

Штамм E. coli MG442/pVIC40, pRhtC (ВКПМ В-7680) имеет те же культурально-морфологические и биохимические признаки что и штамм ВКПМ В-7700 (MG442/pRhtC), за исключением того, что он наряду с плазмидой pRhtC содержит многокопийную гибридную плазмиду pVIC40, несущую гены треонинового оперона и

детерминант устойчивости к стрептомицину. Штамм устойчив к ампициллину и стрептомицину.

Штамм *E. coli* NZ10/pRhtB, pRhtC (ВКПМ В-7681) имеет те же культурально-морфологические и биохимические признаки что и штамм ВКПМ В-7700 (MG442, pRhtC), за исключением того, что он нуждается для роста в L-треонине (0.1-5 мг/мл), рост его не стимулируется L-изолейцином, и он содержит многокопийную плазмиду pRhtB несущую ген *rhtB*, сообщающий клеткам устойчивость к L-гомосерину (10 мг/мл) и детерминант устойчивости к канамицину. Штамм устойчив к канамицину и ампициллину.

Штамм *E. coli* NZ10/pRhtBC (ВКПМ В-7682) имеет те же культурально-морфологические и биохимические признаки что и штамм ВКПМ В-7681 (NZ10/pRhtB, pRhtC), за исключением того, что он содержит многокопийную плазмиду pRhtBC несущую одновременно гены *rhtB* и *rhtC*, а также детерминант устойчивости к ампициллину. Штамм устойчив к ампициллину.

Способ получения аминокислот культивированием штаммов-продуцентов осуществляют следующим образом.

Аминокислоту получают путем культивирования бактерий, у которых Rt-активность, или одновременно Rt-активность и Rh-активность повышены, например, путем амплификации числа копий гена *rhtC* или *rhtB*, как описано выше, и которые обладают способностью к продукции аминокислоты при культивировании их в культуральной среде, где происходит накопление аминокислоты, с последующем выделением этой аминокислоты из среды (культуральной жидкости). Аминокислота представлена преимущественно L-гомосерином, L-треонином, L-аланином, L-валином или L-лейцином. В соответствии с настоящим изобретением, культивирование бактерий, принадлежащих к роду *Escherichia*, выделение и очистку аминокислоты из культуральной жидкости осуществляют известными методами. Для культивирования



используют синтетическую или натуральную среду. Такая среда включает источник углерода, азота, минеральные соли и необходимые добавки в количествах, оптимальных для роста и биосинтеза. В качестве источника углерода используют различные углеводы, такие как глюкоза, сахароза, различные органические кислоты. В зависимости от ассимилирующих способностей можно применять спирты, включая этанол или глицерол. В качестве источника азота используют аммиак, различные соли аммония, такие как сульфат аммония, или другие азотсодержащие соединения, такие как амины, а также природные источники азота, такие как пептон, гидролизат соевых бобов, или гидролизат микробных клеток. В качестве минеральных компонентов используются фосфат калия однозамещенный, сульфат магнезии, хлористый натрий, сульфат железа, сульфат марганца, карбонат кальция. Культивирование преимущественно осуществляют в аэробных условиях, таких как культивирование на мешалке, или с аэрацией и перемешиванием культуры. Температура культивирования - от 30° до 40° C, преимущественно 30-38° C. pH культуры - 5-9, преимущественно 6,5-7,2. pH культуры доводят до желаемых значений с помощью аммония, карбоната кальция, различных кислот, оснований или буферов. Культивирование осуществляют в течение 1-3 дней. После завершения культивирования выделение аминокислоты осуществляют путем удаления твердых частиц, таких как клетки, из среды с помощью центрифугирования или фильтрации через мембранные фильтры с последующим выделением и очисткой целевой аминокислоты с помощью ионообменника, фракционирования с помощью концентрации и кристаллизации.

Перечень фигур.

Фиг.1. Клонирование и идентификация гена *rhtB* и гена *rhtC*.

Фиг.2. Аминокислотная последовательность белка *RhtC* (последовательность №2).

Фиг.3. Нуклеотидная последовательность, содержащая ген *rhtB* (последовательность No.3)

Фиг.4. Аминокислотная последовательность белка *RhtB* (последовательность №4).

Фиг.5. Структура плазмиды *pRhtB*, несущей ген *rhtB*.

Фиг.6. Структура плазмиды *pRhtC*, несущей ген *rhtC*.

Фиг.7. Структура плазмиды *pRhtBC*, несущей гены *rhtB* и *rhtC*.

Настоящее изобретение более конкретно поясняют нижеследующие примеры.

#### **Пример 1.** Получение фрагментов ДНК *rhtB* и *rhtC*

Этап 1. Клонирование генов, связанных с устойчивостью к L-треонину и L-гомосерину, на фазмиде миниMu.

Гены, связанные с устойчивостью к L-треонину и L-гомосерину, клонируют *in vivo* на фазмиде мини Mu (Groisman et al. J.Bacteriol., 168, 357-364, 1986). В качестве донора используют штамм MG442, лизогенизированный Mu *cts62*. Клетки заражают фагом миниMu d5005, индуцируют профаг, полученным фаголизатом инфицируют клетки штамма ВКПМ-513 Mu *cts62* (Hfr K10 *metB*) и высевают на минимальную среду с метионином (50 мкг/мл), L-гомосерином (10 мг/мл) и канамицином (40 мкг/мл) и культивируют при 30°C. Из выросших через 48 часов колоний выделяют плазмидную ДНК, которой трансформируют штамм *E. coli* ВКПМ В-513 по стандартной методике. Трансформанты отбирают на чашках с L-агаром и канамицином (40 мкг/мл). Из трансформантов, которые устойчивы к L-гомосерину, выделяют плазмидную ДНК, которую анализируют с помощью рестриктного анализа. Из донорного штамма были отклонированы вставки (фрагменты ДНК), принадлежащие к двум разным областям хромосомы. Таким образом, на хромосоме *E. coli* обнаружено, по крайней мере, два

гена, которые при амплификации сообщают клеткам *E. coli* устойчивость к L-гомосерину. Один тип вставок содержит ген *rhtA*, о котором уже сообщалось (ABSTRACTS of 17th International Congress of Biochemistry and Molecular Biology in conjugation with 1997 Annual Meeting of the American Society for Biochemistry and Molecular Biology, San Francisco, California August 24-29, 1997). Второй тип вставок содержит фрагмент *SacII-SacII*, сообщающий устойчивость к L-гомосерину и к L-треонину, или минимальный фрагмент *MluI-MluI* длиной 0,8 kb, сообщающий устойчивость только к L-гомосерину (фиг. 1).

#### Этап 2: Идентификация генов *rhtB* и *rhtC*.

Полученный *MluI-MluI* фрагмент секвенируют по двум цепям по методу Сенгера (Sanger et al. Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 74, 5463, 1977) и выясняют, что он включает открытую рамку считывания *f138* (с 61959 по 61543 нуклеотид в последовательности M87049, GenBank) и 201 нуклеотид, расположенный перед ней. Вставка, содержащая открытую рамку считывания *f138* только со 160 5'-фланкирующими нуклеотидами не обеспечивает устойчивости к L-гомосерину. Указанная последовательность выше *f138* не содержит стоп-кодона в рамке *f138*. Кроме того, одному из ATG кодонов в этой последовательности предшествует участок связывания с рибосомами (SD-последовательность, нуклеотиды с 62171 по 62166 в M87049). Эта удлиненная открытая рамка считывания (нуклеотиды 62160-61546) представляет собой структурный ген *rhtB*. Кодированный им белок RhtB (Фиг.4.) является сильно гидрофобным белком и содержит потенциальные трансмембранные сегменты.

Плазмида, содержащая ген *rhtB*, сообщает клеткам устойчивость только к высоким концентрациям гомосерина (Фиг.1). В тоже время фрагмент ДНК *SacII-SacII*, сообщающий клеткам одновременно устойчивость к высоким концентрациям гомосерина и треонина, содержит вторую неидентифицированную открытую рамку считывания, *o128*. Субклонирование *o128* на минимальном фрагменте *ClaI-Eco47III*

показывает, что плаزمид, несущая этот ген, сообщает клеткам устойчивость только к высоким (50 мг/мл) концентрациям L-треонина (Фиг. 1). Субклонированный фрагмент был секвенирован и оказалось, что он содержит дополнительный нуклеотид (G) в положении между нуклеотидами 61213 и 61214 последовательности M87049. Добавление этого нуклеотида к указанной последовательности элиминирует сдвиг рамки считывания и удлиняет открытую рамку считывания в направлении 5'-фланкирующей области до 60860 нуклеотида, включительно. Этот новый ген (нуклеотиды No. 60860-61480 в M87049) обозначен как *rhtC*. Оба гена, *rhtB* и *rhtC*, кодируют белки, гомологичные транспортеру, связанному с транспортом лизина из клеток *Corynebacterium glutamicum*.

**Пример 2.** Влияние амплификации гена *rhtB*, или гена *rhtC* на продукцию L-гомосерина.

<1> Конструирование L-гомосерин-продуцирующего штамма *E. coli* NZ10/pAL4, pRhtB (ВКПМ В-7658) и получение L-гомосерина с его помощью.

Фрагмент ДНК *rhtB* клонируют в многокопийный плазмидный вектор pUK21 (Vieira, Messing, Gene, 100, 189-194, 1991). В результате получают плазмиду pRhtB (Фиг. 5).

Штамм *E. coli* NZ10, который является *Leu*<sup>+</sup> ревертантом известного штамма C600 (*thrB*, *leuB*) (Appleyard, Genetics., 39, 440-452, 1954), трансформируют плазмидой pAL4, которая представляет собой вектор pBR322, несущий ген *thrA*, кодирующий аспартокиназу-гомосериндегидрогеназу I. В результате получают штамм *E. coli* NZ10/pAL4, способный к продукции L-гомосерина. Полученный штамм трансформируют плазмидой pRhtB или вектором pUK21 и в результате получают штаммы *E. coli* NZ10/pAL4, pRhtB (ВКПМ В-7658) и *E. coli* NZ10/pAL4, pUK21 (ВКПМ В-7661). Штамм *E. coli* NZ10/pAL4, pRhtB сообщает клеткам устойчивость к высокой

концентрации гомосерина (10 мг/мл), к которой штамм *E. coli* NZ10/pAL4, pUK21 остается чувствительным. Каждый из полученных штаммов культивируют при 37 С в течение 18 часов в бульоне LB (Миллер, Дж. Эксперименты в молекулярной генетике. Москва "Мир", 1976. Стр.395) содержащем 50 мг/л канамицина и 100 мг/мл ампицилина. По 0.3 мл полученной культуральной жидкости вносят в 3 мл ферментационной среды, имеющей состав, указанный ниже, и содержащей 50 мг/мл канамицина и 100 мг/мл ампицилина, содержащейся в пробирках 20 x 200 мм, и культивируют при 37 С 46 часов на роторной качалке.

Состав ферментационной среды (г/л):

Глюкоза	80
(NH <sub>4</sub> ) <sub>2</sub> SO <sub>4</sub>	22
K <sub>2</sub> HPO <sub>4</sub>	2
NaCl	0.8
MgSO <sub>4</sub> x 7H <sub>2</sub> O	0.8
FeSO <sub>4</sub> x 7H <sub>2</sub> O	0.02
MnSO <sub>4</sub> x 5H <sub>2</sub> O	0.02
Тиамин HCl	0,0002
Дрожжевой экстракт	1,0
CaCO <sub>3</sub>	30 (добавляют после стерилизации)

Таблица 1

Штамм <i>E. coli</i>	OD <sub>560</sub>	Накопление гомосерина (г/л)
NZ10/pAL4, pUK21	14.3	3,3
NZ10/pAL4, pRhtB	15.6	6,4

После культивирования определяют количество накопившегося в среде L-гомосерина и оптическую плотность культуральной жидкости при 560 нм известными

методами. Как показано в табл. 1., штамм NZ10/pAL4, pRhtB накапливает L-гомосерин в большем количестве, чем штамм NZ10/pAL4, pUK21, в котором число копий гена rhtB не увеличено.

<2> Конструирование L-гомосерин-продуцирующего штамма *E. coli* MG442, pRhtC (ВКПМ В-7700) и получение L-гомосерина с его помощью.

Фрагмент ДНК rhtC клонируют в многокопийный плазмидный вектор pUC21 (Vieira, Messing, Gene, 100, 189-194, 1991). В результате получают плазмиду pRhtC (Фиг. 6).

Известный штамм *E. coli* MG442 (Гусятинер и др., 1978, Генетика, 14, 947-956) трансформируют плазмидой pRhtC или вектором pUC21 и в результате получают штаммы *E. coli* MG442/pRhtC (ВКПМ В-7700) и *E. coli* MG442/pUC21. Штамм *E. coli* MG442/pRhtC обладает устойчивостью к высокой концентрации треонина (50 мг/мл), к которой штамм *E. coli* MG442/pUC21 остается чувствительным.

Каждый из полученных таким образом штаммов культивируют при 37°C 18 часов в LB бульоне с 100 мг/л ампициллина. Затем по 0.3 мл полученной культуральной жидкости вносят в пробирки 20 x 200 мм с 3 мл ферментационной среды, описанной выше, содержащей 100 мг/л ампициллина, и культивировали при 37C 72 часа на роторной качалке. После культивирования количество накопленного в среде L-гомосерина, а также оптическую плотность культуральной жидкости при 560 нм измеряют известными методами. Результаты представлены в табл.2.

Как показано в табл. 2, штамм MG442 после введения в него плазмиды pRhtC из продуцента треонина превращается в продуцент гомосерина и накапливает этой аминокислоты больше, чем штамм MG442/pUC21, в котором число копий гена rhtC не увеличено.

Таблица 2

Штамм <i>E. coli</i>	OD <sub>560</sub>	Накопление L-гомосерина (г/л)
MG422/pUC21	9.7	<0.1
MG422/pRhtC	15.2	9.5

**Пример 3.** Влияние амплификации гена *rhtB* или гена *rhtC* на продукцию L-треонина.

<1> Конструирование штамма- продуцента L-треонина *E. coli* MG442/pVIC40, pRhtB (ВКПМ В-7660) и получение L-треонина с его помощью.

Для получения нового штамма–продуцента L-треонина *E. coli* MG442/pVIC40, pRhtB в качестве реципиента используют штамм *E. coli* MG442 (см. Пример 2). Этот штамм трансформируют известной плазмидой pVIC40 (Патент США 5,175, 107, 1992). Трансформанты отбирают на чашках с LB агаром, содержащем 100 мг/л стрептомицина и получают штамм MG442/pVIC40. Штамм MG442/pVIC40 трансформируют плазмидами pRhtB или pUK21 и получают штаммы MG442/pVIC40, pRhtB (ВКПМ В-7660) и MG442/pVIC40, pUK21 (ВКПМ В- 7663).. Штамм *E. coli* MG442/pVIC40, pRhtB обладает устойчивостью к высокой концентрации гомосерина (10мг/мл) к которой штамм *E. coli* MG442/pUC21 остается чувствительным.

Каждый из этих штаммов культивируют при 37°C 18 часов в LB бульоне как в примере 2 с 50 мг/л канамицина и 100 мг/л стрептомицина. Затем 0,3 мл полученной культуральной жидкости вносят в пробирки 20 x 200 мм с 3 мл ферментационной среды, описанной в примере 2, содержащей 50 мг/л канамицина и 100 мг/л стрептомицина. и культивируют при 37°C 46 часов на роторной качалке. После культивирования количество накопившегося в среде L-треонина и оптическую плотность культур при 560 нм измеряют известными способами. Результаты представлены в табл.3.

Таблица 3

Штамм <i>E. coli</i>	OD560	Накопление L-треонина, г/л
MG442/pVIC40, pUK21	16.3	12.9
MG442/pVIC40, pRhtB	15.2	16.3

Как показано, в табл. 3, штамм MG442/pVIC40, pRhtB накапливает L-треонин в большем количестве чем штамм MG442/pVIC40, pUK21, у которого число копий гена *rhtB* не увеличено.

<2> Конструирование штамма- продуцента L-треонина *E. coli* MG442/pVIC40, pRhtC (ВКПМ В-7680) и получение L-треонина с его помощью.

Штамм MG442/pVIC40 трансформируют плазмидами pRhtC или pUC21 и получают штаммы MG442/pVIC40, pRhtC (ВКПМ В-76800) и MG442/pVIC40, pUC21.

Штамм MG442/pVIC40, pRhtC обладает устойчивостью к высокой концентрации треонина (50мг/мл) к которой штамм *E. coli* MG442/pVIC40, pUC21 остается чувствительным.

Каждый из этих штаммов культивируют при 37°C 18 часов в LB бульоне как в примере 2 со 100 мг/л ампициллина и 100 мг/л стрептомицина. Затем 0,3 мл полученной культуральной жидкости вносят в пробирки 20 x 200 мм с 3 мл ферментационной среды, описанной в примере 2, содержащей 100 мг/л ампицллина и 100 мг/л стрептомицина, и культивируют при 37°C 46 часов на роторной качалке. После культивирования количество накопившегося в среде L-треонина и оптическую плотность культур при 560 нм измеряют известными способами. Результаты представлены в табл.4.



Таблица 4

Штамм <i>E. coli</i>	OD560	Накопление L-треонина, г/л
MG442/pVIC40, pUC21	17.4	4.9
MG442/pVIC40, pRhtC	15.1	10.2

Как показано, в табл. 4, штамм MG442/pVIC40, pRhtC накапливает L-треонин в большем количестве чем штамм MG442/pVIC40, pUC21, у которого число копий гена *rhtC* не увеличено.

**Пример 4.** Влияние совместной амплификации гена *rhtB* и гена *rhtC* на продукцию аминокислот.

Фрагмент ДНК *SacII-SacII*, содержащий одновременно гены *rhtB* и *rhtC*, клонируют в многокопийный плазмидный вектор pUC21 (Vieira, Messing, Gene, 100, 189-194, 1991). В результате получают плазмиду pRhtBC (Фиг.1, Фиг. 7).

Штамм *E. coli* NZ10 трансформируют вектором pUC21 или плазмидами pRhtB, pRhtC, pRhtBC и в результате получают штаммы *E. coli* NZ10/pUC21 (ВКПМ В-7685), *E. coli* NZ10/ pRhtB (ВКПМ В-7683), *E. coli* NZ10/ pRhtC (ВКПМ В-7684), *E. coli* NZ10/pRhtB, pRhtC (ВКПМ В-7681) и *E. coli* NZ10/pRhtBC (ВКПМ В-7682). Штамм *E. coli* NZ10/ pRhtB обладает повышенной устойчивостью к высокой концентрации гомосерина (10мг/мл), штамм *E. coli* NZ10/pRhtC обладает повышенной устойчивостью к L-треонину (50 мг/мл) а штаммы *E. coli* NZ10/ pRhtB, pRhtC и *E. coli* NZ10/ pRhtBC обладают одновременно повышенной устойчивостью к высокой концентрации гомосерина (10мг/мл) и треонина (50 мг/мл), к которым штамм *E. coli* NZ10/pUC21 остается чувствительным.

Каждый из полученных штаммов культивируют, как описано выше, внося в посевную и ферментационную среду соответствующие антибиотики. После

культивирования в течение 46 часов количество накопившихся в среде аминокислот и оптическую плотность культур при 560 нм измеряют известными способами. Результаты представлены в табл.5

Таблица 5.

Штамм	OD <sub>560</sub>	Гомосерин (г/л)	Валин (г/л)	Лейцин (г/л)
NZ10/pUC21	18.7	0.6	0.22	0.16
NZ10/pRhtB	19.6	2.3	0.21	0.14
NZ10/pRhtC	20.1	1.7	0.20	0.15
NZ10/pRhtBC	21.8	4.2	0.34	0.44
NZ10/pRhtB,pRhtC	19.2	4.4	0.35	0.45

Как показано, в табл. 5, одновременная амплификация генов *rhtB* и *rhtC* в клетках штамма NZ10 повышает накопление в культуральной жидкости L-гомосерина, L-валина и L-лейцина. Этот результат показывает что в клетках продукты генов *rhtB* и *rhtC* могут между собой взаимодействовать.

**Пример 5** Влияние амплификации гена *rhtB* и гена *rhtC* на устойчивость бактерий *E.coli* к некоторым аминокислотам и аналогам аминокислот.

Как показано выше, плазмиды, несущие гены *rhtB* и *rhtC* оказывают положительное влияние на накопление некоторых аминокислот в культуральной жидкости различными штаммами-продуцентами. Оказалось также что характер накапливаемых аминокислот зависит от генотипа штамма. Гомология продуктов генов *rhtB* и *rhtC* с лизиновым транспортером *LysE*, осуществляющим экспорт L-лизина из клеток *Corynebacterium glutamicum* (Vrljic et al., Mol. Microbiol.,22, 815-826, 1996), указывает на аналогичную функцию белков *RhtB* и *RhtC*. Известно, что повышение активности генов, контролирующих транспорт из клеток различных

ингибиторов роста, увеличивает их устойчивость к соответствующим соединениям. В связи с этим определяют влияние плазмид pRhtB и pRhtC на устойчивость штамма *E. coli* N99, который является *Str<sup>R</sup>* мутантом известного штамма *E. coli* W3350 (ВКПМ В-1557), к некоторым аминокислотам и аналогам аминокислот. С этой целью штамм N99 трансформируют плазмидами pRhtB, pRhtC и векторами pUC21 и pUK21. Ночные культуры полученных штаммов N99/pRhtB, N99/pRhtC, N99/pUK21 и N99/pUC21, выращенные в минимальной среде М9 на качалке (около  $10^9$  клеток/мл) разводят 1:100 и подращивают в течение 5 часов в той же среде. Затем полученные культуры в логарифмической фазе роста разводят и приблизительно по  $10^4$  жизнеспособных клеток наносят на высушенные чашки с агаризованной (2% агара) средой М9, содержащей различные концентрации аминокислот, или аналогов аминокислот. Рост или отсутствие роста определяют через 46-48 часов. Таким образом устанавливают минимальные ингибирующие концентрации (МИК) этих соединений (Табл. 6).

Таблица 6

Соединение	МИК (мкг/мл)		
	N99/pUC21*	N99/pRhtB	N99/pRhtC
L-гомосерин	1000	20000	1000
L-треонин	30000	40000	80000
L-валин	0,5	0,5	2,0
L-гистидин	5000	5000	40000
АОВ	100	2000	15000
АЭЦ	5	20	5
4-аза-DL-лейцин	50	100	50
О-метил-L-треонин	20	20	20

\* Те же данные были получены и для штамма N99/pUK21.

Как видно из таблицы, амплификация гена *rhtB* существенно повышает устойчивость бактерий не только к гомосерину, но и к аналогу треонина,  $\alpha$ -амино- $\beta$ -оксивалериановой кислоте (АОВ), в меньшей степени возрастает устойчивость к L-треонину и к аналогу L-лизина, (S)-2-аминоэтил-L-цистеину (АЭЦ).. Кроме того, наблюдается некоторое увеличение резистентности бактерий к аналогу лейцина, 4-аза-DL-лейцину. Амплификация гена *rhtC* кроме L-треонина существенно повышает устойчивость бактерий к АОВ, L-гистидину и L-валину. Эти результаты свидетельствуют о том, что каждый из предполагаемых транспортеров, *RhtB* и *RhtC*, обладают специфичностью по отношению к нескольким субстратам (аминокислотам) или может обнаруживать неспецифический эффект в результате амплификации.

# ФОРМУЛА ИЗОБРЕТЕНИЯ

1. Фрагмент ДНК *rhtC*, кодирующий синтез белка *RhtC*, придающего повышенную устойчивость к L-треонину бактериям *Escherichia coli*, содержащий регуляторные элементы гена *rhtC* и структурную часть гена *rhtC* и имеющий следующую нуклеотидную последовательность (последовательность No.1):

```

atgccgatca ccgccagcga aatgctcagc gttaacggcg ttgggatgcg caagctggaa 60
cgctttggca aaccgtttat ggcgctgatt cgtgcgcatg ttgatggcga tgacgaagag 120
tagtcagcag cataaaaaag tgccagtatg aagactccgt aaacgtttcc cccgcgagtc 180
aaatgt atg ttg atg tta ttt ctc acc gtc gcc atg gtg cac att gtg 228
Met Leu Met Leu Phe Leu Thr Val Ala Met Val His Ile Val
      1           5           10
gcg ctt atg agc ccc ggt ccc gat ttc ttt ttt gtc tct cag acc gct 276
Ala Leu Met Ser Pro Gly Pro Asp Phe Phe Phe Val Ser Gln Thr Ala
      15           20           25           30
gtc agt cgt tcc cgt aaa gaa gcg atg atg ggc gtg ctg ggc att acc 324
Val Ser Arg Ser Arg Lys Glu Ala Met Met Gly Val Leu Gly Ile Thr
      35           40           45
tgc ggc gta atg gtt tgg gct ggg att gcg ctg ctt ggc ctg cat ttg 372
Cys Gly Val Met Val Trp Ala Gly Ile Ala Leu Leu Gly Leu His Leu
      50           55           60
att atc gaa aaa atg gcc tgg ctg cat acg ctg att atg gtg ggc ggt 420
Ile Ile Glu Lys Met Ala Trp Leu His Thr Leu Ile Met Val Gly Gly
      65           70           75
ggc ccg tat ctc tgc tgg atg ggt tac cag atg cta cgt ggt gca ctg 468
Gly Leu Tyr Leu Cys Trp Met Gly Tyr Gln Met Leu Arg Gly Ala Leu
      80           85           90
aaa aaa gag gcg gtt tct gca cct gcg cca cag gtc gag ctg gcg aaa 516
Lys Lys Glu Ala Val Ser Ala Pro Ala Pro Gln Val Glu Leu Ala Lys
      95           100           105           110
agt ggg cgc agt ttc ctg aaa ggt tta ctg acc aat ctc gct aat ccg 564
Ser Gly Arg Ser Phe Leu Lys Gly Leu Leu Thr Asn Leu Ala Asn Pro
      115           120           125
aaa gcg att atc tac ttt ggc tgc gtg ttc tca ttg ttt gtc ggt gat 612
Lys Ala Ile Ile Tyr Phe Gly Ser Val Phe Ser Leu Phe Val Gly Asp
      130           135           140
aac gtt ggc act acc gcg cgc tgg ggc att ttt gcg ctg atc att gtc 660
Asn Val Gly Thr Thr Ala Arg Trp Gly Ile Phe Ala Leu Ile Ile Val
      145           150           155

```

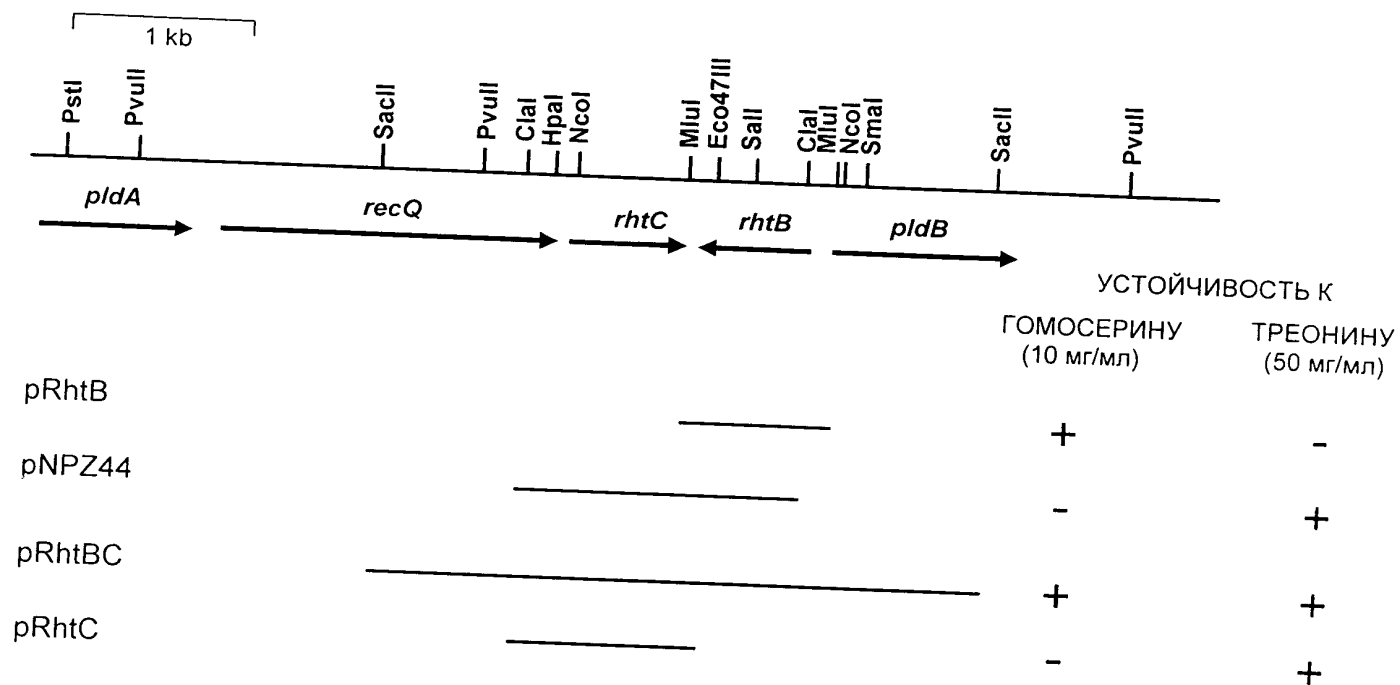
```

gaa acg ctg gcg tgg ttt acc gtc gtt gcc agc ctg ttt gcc ctg ccg 708
Glu Thr Leu Ala Trp Phe Thr Val Val Ala Ser Leu Phe Ala Leu Pro
160 165 170
caa atg cgc cgt ggt tat caa cgt ctg gcg aag tgg att gat ggt ttt 756
Gln Met Arg Arg Gly Tyr Gln Arg Leu Ala Lys Trp Ile Asp Gly Phe
175 180 185 190
gcc ggg gcg tta ttt gcc gga ttt ggc att cat ttg att att tcg cgg 804
Ala Gly Ala Leu Phe Ala Gly Phe Gly Ile His Leu Ile Ile Ser Arg
195 200 205
tgatgccaga cgcgtcttca gagtaagtcg gataag 840

```

2. Способ получения аминокислот L-треонина, или L-гомосерина, или L-валина, или L-лейцина путем культивирования устойчивых к L-треонину штаммов-продуцентов бактерий рода *Escherichia* в подходящей питательной среде с последующим выделением и очисткой целевой аминокислоты, отличающийся тем, что в качестве продуцентов используют бактерии *E. coli*, с повышенной устойчивостью к L-треонину, которая обусловлена повышенным содержанием в клетках этих бактерий белка RhtC, кодируемого фрагментом ДНК rhtC по п. 1.

Фрагмент ДНК *rhtC*, кодирующий синтез белка RhtC, придающего повышенную устойчивость к L-треонину бактериям *Escherichia coli*, и способ получения L-аминокислот.



Фиг. 1.

Фрагмент ДНК rhtC, кодирующий синтез  
 белка RhtC, придающего повышенную  
 устойчивость к L-треонину бактериям  
*Escherichia coli*, и способ получения  
 L-аминокислот.

Met	Leu	Met	Leu	Phe	Leu	Thr	Val	Ala	Met	Val	His	Ile	Val	Ala	Leu	1	5	10	15
Met	Ser	Pro	Gly	Pro	Asp	Phe	Phe	Phe	Val	Ser	Gln	Thr	Ala	Val	Ser	20	25	30	
Arg	Ser	Arg	Lys	Glu	Ala	Met	Met	Gly	Val	Leu	Gly	Ile	Thr	Cys	Gly	35	40	45	
Val	Met	Val	Trp	Ala	Gly	Ile	Ala	Leu	Leu	Gly	Leu	His	Leu	Ile	Ile	50	55	60	
Glu	Lys	Met	Ala	Trp	Leu	His	Thr	Leu	Ile	Met	Val	Gly	Gly	Gly	Leu	65	70	75	80
Tyr	Leu	Cys	Trp	Met	Gly	Tyr	Gln	Met	Leu	Arg	Gly	Ala	Leu	Lys	Lys	85	90	95	
Glu	Ala	Val	Ser	Ala	Pro	Ala	Pro	Gln	Val	Glu	Leu	Ala	Lys	Ser	Gly	100	105	110	
Arg	Ser	Phe	Leu	Lys	Gly	Leu	Leu	Thr	Asn	Leu	Ala	Asn	Pro	Lys	Ala	115	120	125	
Ile	Ile	Tyr	Phe	Gly	Ser	Val	Phe	Ser	Leu	Phe	Val	Gly	Asp	Asn	Val	130	135	140	
Gly	Thr	Thr	Ala	Arg	Trp	Gly	Ile	Phe	Ala	Leu	Ile	Ile	Val	Glu	Thr	145	150	155	160
Leu	Ala	Trp	Phe	Thr	Val	Val	Ala	Ser	Leu	Phe	Ala	Leu	Pro	Gln	Met	165	170	175	
Arg	Arg	Gly	Tyr	Gln	Arg	Leu	Ala	Lys	Trp	Ile	Asp	Gly	Phe	Ala	Gly	180	185	190	
Ala	Leu	Phe	Ala	Gly	Phe	Gly	Ile	His	Leu	Ile	Ile	Ser	Arg			195	200	205	



Фрагмент ДНК rhtC, кодирующий синтез белка RhtC, придающего повышенную устойчивость к L-треонину бактериям Escherichia coli, и способ получения L-аминокислот.

```

agaataatg tggagatcgc accgcccac gaatgtgcc gtatatagcg tttacgccac 60
ggaccgggct gaacctcctg ctgccagaat gccgccagat catcaacata atcattaaag 120
cgattaacat gcccgagatg cggatcggct aacaggcgac cggaacgtcc ctgccgcga 180
tggtcgatga ttaagacatc aaaccccaaa tggaaacaggt cataggccag ttccgcatat 240
tttacgtagc tctcaatacg ccccgggcag atgactacca cccggtcagt gtgctgtgcg 300
cgaaaacgga caaagcgac cggaatgtca tccacaccag taaactctgc ttcatacgc 360
tgacgccaga aatcagtcag cggccccatg gtaaaagcag caaacgcgtt ttctcttgtt 420
tcccagtttt ttgctgctg aaacatcggg taatctgcct cttaaaccac gtaaaatcgt 480
tttttttagc gtgcctgaca caacgtgcg acagtagcgt attgtggcac aaaaatagac 540
acaccgggag ttcatac atg acc tta gaa tgg tgg ttt gcc tac ctg ctg. aca 592
Met Thr Leu Glu Trp Trp Phe Ala Tyr Leu Leu Thr
      1           5           10
tcg atc att tta acg ctg tgc cca ggc tct ggt gca atc aac act atg 640
Ser Ile Ile Leu Thr Leu Ser Pro Gly Ser Gly Ala Ile Asn Thr Met
      15           20           25
acc acc tgc ctc aac cac ggt tat ccg gcc ggt ggc gtc tat tgc tgg 688
Thr Thr Ser Leu Asn His Gly Tyr Pro Ala Gly Gly Val Tyr Cys Trp
      30           35           40
gct tca gac cgg act ggc gat tca tat tgt gct ggt tgg cgt ggg gtt 736
Ala Ser Asp Arg Thr Gly Asp Ser Tyr Cys Ala Gly Trp Arg Gly Val
      45           50           55           60
ggg acg cta ttt tcc cgc tca gtg att gcg ttt qaa qta ttq aaq tqg 784
Gly Thr Leu Phe Ser Arg Ser Val Ile Ala Phe Glu Val Leu Lys Trp
      65           70           75
aca gcc gcc gct tac tta att taa cta qaa atc caa caa taa cac qcc 832
Ala Gly Ala Ala Tyr Leu Ile Trp Leu Gly Ile Gln Gln Trp Arg Ala
      80           85           90
gct ggt gca att gac ctt aaa tgc ctg gcc tct act caa tgc cgt cga 880
Ala Gly Ala Ile Asp Leu Lys Ser Leu Ala Ser Thr Gln Ser Arg Arg
      95           100           105
cat ttg ttc cag cgc gca gtt ttt gtg aat ctc acc aat ccc aaa agt 928
His Leu Phe Gln Arg Ala Val Phe Val Asn Leu Thr Asn Pro Lys Ser
      110           115           120
att gtg ttt ctg gcg gcg cta ttt ccg caa ttc atc atg ccg caa cag 976
Ile Val Phe Leu Ala Ala Leu Phe Pro Gln Phe Ile Met Pro Gln Gln
      125           130           135           140
ccg caa ctg atg cag tat atc gtg ctc ggc gtc acc act att gtg gtc 1024
Pro Gln Leu Met Gln Tyr Ile Val Leu Gly Val Thr Thr Ile Val Val
      145           150           155
gat att att gtg atg atc ggt tac gcc acc ctt gct caa cgg att gct 1072
Asp Ile Ile Val Met Ile Gly Tyr Ala Thr Leu Ala Gln Arg Ile Ala
      160           165           170
cta tgg att aaa gga cca aag cag atg aag gcg ctg aat aag att ttc 1120
Leu Trp Ile Lys Gly Pro Lys Gln Met Lys Ala Leu Asn Lys Ile Phe
      175           180           185
ggc tgc ttg ttt atg ctg gtg gga gcg ctg tta gca tgc gcg agg cat 1168
Gly Ser Leu Phe Met Leu Val Gly Ala Leu Leu Ala Ser Ala Arg His
      190           195           200
gcg tgaaaaataa tgtcggatgc ggcgtaaacg ccttatccga cttactctga 1221
Ala
205
agacgcgtct 1231

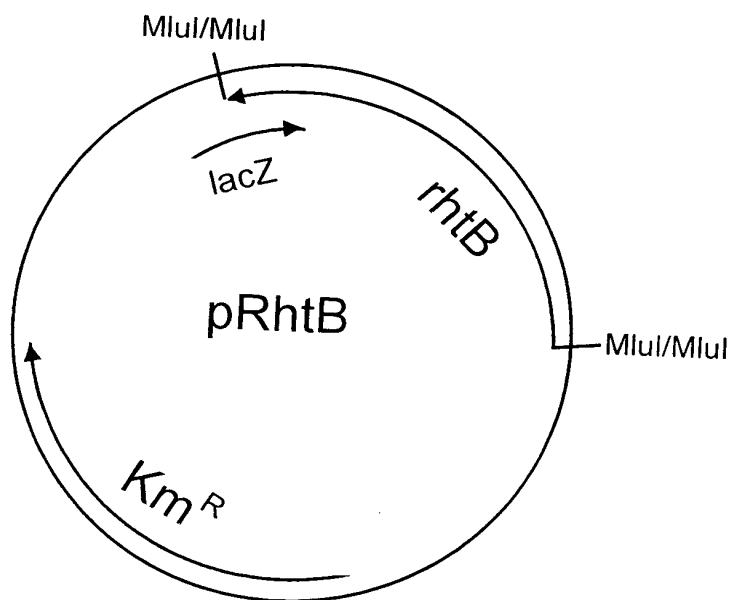
```

Фрагмент ДНК rhtC, кодирующий синтез  
 белка RhtC, придающего повышенную  
 устойчивость к L-треонину бактериям  
*Escherichia coli*, и способ получения  
 L-аминокислот.

Met	Thr	Leu	Glu	Trp	Trp	Phe	Ala	Tyr	Leu	Leu	Thr	Ser	Ile	Ile	Leu
1				5					10					15	
Thr	Leu	Ser	Pro	Gly	Ser	Gly	Ala	Ile	Asn	Thr	Met	Thr	Thr	Ser	Leu
			20					25					30		
Asn	His	Gly	Tyr	Pro	Ala	Gly	Gly	Val	Tyr	Cys	Trp	Ala	Ser	Asp	Arg
		35				40						45			
Thr	Gly	Asp	Ser	Tyr	Cys	Ala	Gly	Trp	Arg	Gly	Val	Gly	Thr	Leu	Phe
	50					55					60				
Ser	Arg	Ser	Val	Ile	Ala	Phe	Glu	Val	Leu	Lys	Trp	Ala	Gly	Ala	Ala
65					70					75					80
Tyr	Leu	Ile	Trp	Leu	Gly	Ile	Gln	Gln	Trp	Arg	Ala	Ala	Gly	Ala	Ile
			85						90					95	
Asp	Leu	Lys	Ser	Leu	Ala	Ser	Thr	Gln	Ser	Arg	Arg	His	Leu	Phe	Gln
			100					105					110		
Arg	Ala	Val	Phe	Val	Asn	Leu	Thr	Asn	Pro	Lys	Ser	Ile	Val	Phe	Leu
		115					120					125			
Ala	Ala	Leu	Phe	Pro	Gln	Phe	Ile	Met	Pro	Gln	Gln	Pro	Gln	Leu	Met
	130				135					140					
Gln	Tyr	Ile	Val	Leu	Gly	Val	Thr	Thr	Ile	Val	Val	Asp	Ile	Ile	Val
145				150						155					160
Met	Ile	Gly	Tyr	Ala	Thr	Leu	Ala	Gln	Arg	Ile	Ala	Leu	Trp	Ile	Lys
			165					170					175		
Gly	Pro	Lys	Gln	Met	Lys	Ala	Leu	Asn	Lys	Ile	Phe	Gly	Ser	Leu	Phe
			180					185					190		
Met	Leu	Val	Gly	Ala	Leu	Leu	Ala	Ser	Ala	Arg	His	Ala			
		195					200					205			

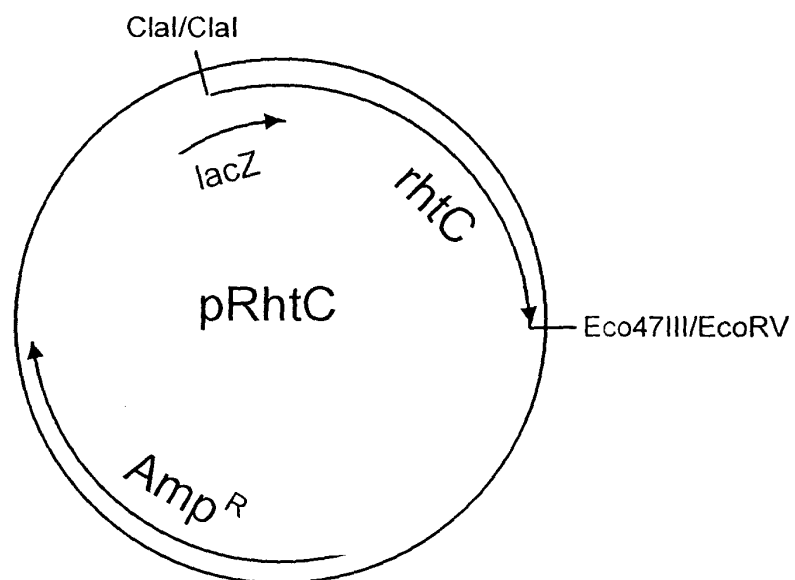
Фиг. 4.

Фрагмент ДНК *rhtC*, кодирующий синтез белка RhtC, придающего повышенную устойчивость к L-треонину бактериям *Escherichia coli*, и способ получения L-аминокислот.



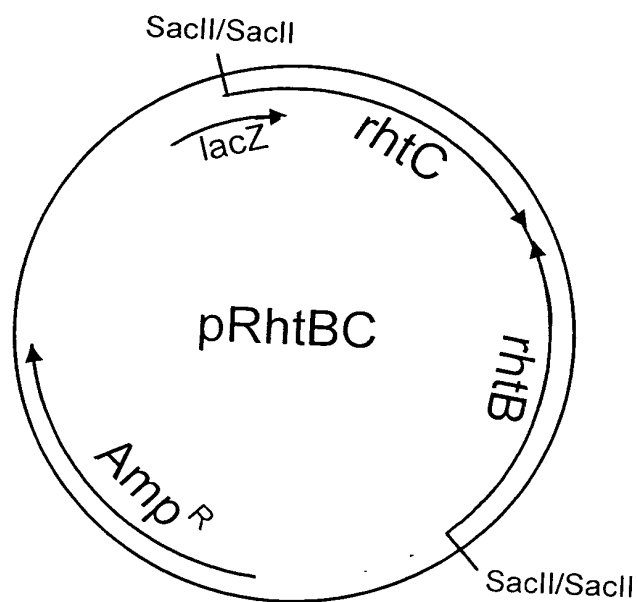
Фиг. 5.

Фрагмент ДНК *rhtC*, кодирующий синтез белка RhtC, придающего повышенную устойчивость к L-треонину бактериям *Escherichia coli*, и способ получения L-аминокислот.



Фиг. 6.

Фрагмент ДНК *rhtC*, кодирующий синтез белка RhtC, придающего повышенную устойчивость к L-треонину бактериям *Escherichia coli*, и способ получения L-аминокислот.

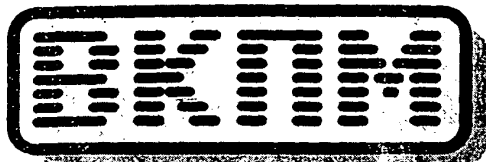


Фиг. 7.

## РЕФЕРАТ

### ФРАГМЕНТ ДНК *rhtC*, КОДИРУЮЩИЙ СИНТЕЗ БЕЛКА RhtC, ПРИДАЮЩЕГО ПОВЫШЕННУЮ УСТОЙЧИВОСТЬ К L-ТРЕОНИНУ БАКТЕРИЯМ *ESCHERICHIA COLI*, И СПОСОБ ПОЛУЧЕНИЯ L-АМИНОКИСЛОТ

Изобретение относится к биотехнологии и генетической инженерии. Заявлен фрагмент ДНК *rhtC*, кодирующий синтез белка RhtC, который придает повышенную устойчивость к L-треонину бактериям *Escherichia coli*. На основе мультикопийной плазмиды, *pRhtC*, содержащей этот фрагмент, сконструированы штамм *E. coli* MG442/*pRhtC*, – продуцент L-гомосерина и штамм *E. coli* MG442/*pVIC40*, *pRhtC* – продуцент L-треонина, способные к повышенной продукции указанных аминокислот по сравнению со штаммами, не содержащими плазмиду *pRhtC*. Получены также штаммы *E. coli* NZ10/*pRhtBC* и NZ10/*pRhtB*, *pRhtC* содержащие на плазмидах кроме гена *rhtC* также ген *rhtB*, придающий клеткам устойчивость к L-гомосерину. Эти штаммы обладают повышенной способностью к продукции L-гомосерина, L-валина и L-лейцина по сравнению со штаммами, не содержащими указанных плазмид. Описаны физиолого-биохимические, культурально-морфологические свойства новых штаммов. Описан способ получения аминокислот с использованием новых штаммов-продуцентов.



## Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов

Россия, Москва, 113545, 1-ый Дорожный проезд, 1, ГНИИ Генетика - ВКПМ;  
(095) 3151210; факс: (095) 3150501; телекс: 411718 GENOM SU; Эл. почта: vkpm@vnigen.msk.su;

6009

22 декабря 98

### СПРАВКА

Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов  
(ВКПМ), ГНИИ Генетика

приняла на национальное патентное депонирование  
08 декабря 1998 года

культуру *Escherichia coli* MG 442 (vic40)(pRHTC)

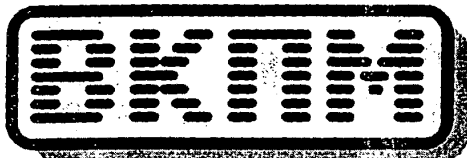
Продукт, синтезируемый штаммом: треонин

Депозитор: ГосНИИ Генетика



Зав. ВКПМ

КОЛЛЕКЦИОННЫЙ НОМЕР ВКПМ В-7680



# Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов

Россия, Москва, 113545, 1-ый Дорожный проезд, 1, ГНИИ Генетика - ВКПМ;  
(095) 3151210; факс: (095) 3150501; телекс: 411718 GENOM SU; Эл. почта: vkpm@vnigen.msk.su;

6009

22 декабря 98

## СПРАВКА

Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов  
(ВКПМ), ГНИИ Генетика  
приняла на национальное патентное депонирование  
08 декабря 1998 года

культуру *Escherichia coli* NZ10 (pRHTC)(pRHTB)

Продукт, синтезируемый штаммом:

гомосерин, валин, лейцин

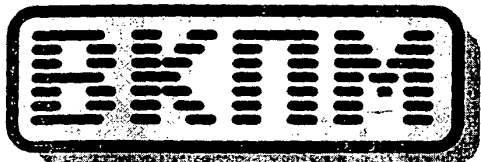
Депозитор: ГосНИИ Генетика



Зав. ВКПМ

КОЛЛЕКЦИОННЫЙ НОМЕР ВКПМ В-7681





## Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов

[ ] Россия, Москва, 113545, 1-ый Дорожный проезд, 1, ГНИИ Генетика - ВКПМ;  
☎ (095) 3151210; факс: (095) 3150501; телекс: 411718 GENOM SU; Эл. почта: vkpm@vniigen.msk.su;

6009

22 декабря 98

### СПРАВКА

**Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов  
(ВКПМ), ГНИИГенетика  
приняла на национальное патентное депонирование  
08 декабря 1998 года**

**культуру Escherichia coli NZ10 (pRHTBC)**

**Продукт, синтезируемый штаммом:**

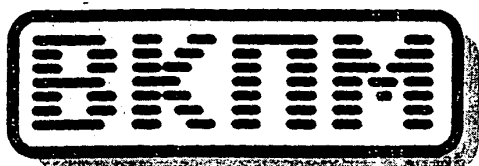
**гомосерин, валин, лейцин**

**Депозитор: ГосНИИГенетика**



**Зав. ВКПМ**

**КОЛЛЕКЦИОННЫЙ НОМЕР ВКПМ В-7682**



# Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов

(Россия, Москва, 113545, 1-ый Дорожный проезд, 1, ГНИИ Генетика - ВКПМ;  
(095) 3151210; факс: (095) 3150501; телекс: 411718 GENOM SU; Эл. почта: vkpm@vniigen.msk.su;

6009

22 декабря 98

## СПРАВКА

**Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов  
(ВКПМ), ГНИИ Генетика**

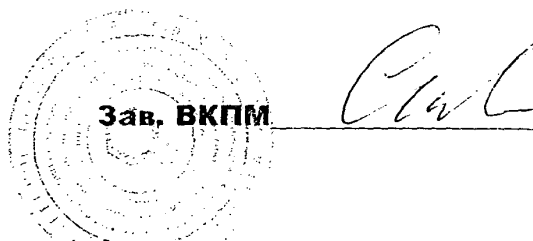
**приняла на национальное патентное депонирование  
08 декабря 1998 года**

**культуру Escherichia coli NZ10 (pRHTB)**

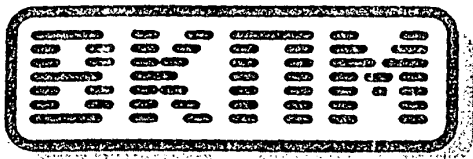
**Продукт, синтезируемый штаммом:**

**гомосерин**

**Депозитор: ГосНИИ Генетика**



**КОЛЛЕКЦИОННЫЙ НОМЕР ВКПМ В-7683**



## Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов

[ ] Россия, Москва, 113545, 1-ый Дорожный проезд, 1, ГНИИ Генетика - ВКПМ;  
т: (095) 3151210; факс: (095) 3150501; телекс: 411718 GENOM SU; Эл. почта: vkpm@vniigen.msk.su;

6009

22 декабря 98

### СПРАВКА

Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов  
(ВКПМ), ГНИИ Генетика

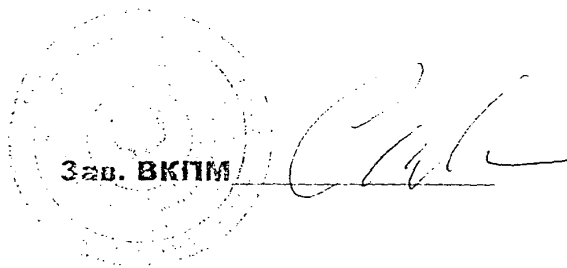
приняла на национальное патентное депонирование  
08 декабря 1998 года

культуру *Escherichia coli* NZ10 (pRhtC)

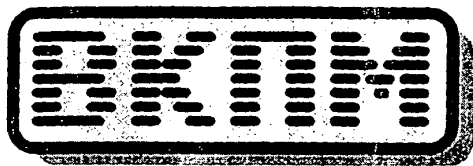
Продукт, синтезируемый штаммом:

гомосерин

Депозитор: ГосНИИ Генетика



КОЛЛЕКЦИОННЫЙ НОМЕР ВКПМ В-7684



# Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов

[ ] Россия, Москва, 113545, 1-ый Дорожный проезд, 1, ГНИИ Генетика - ВКПМ;  
☎ (095) 3151210; факс: (095) 3150501; телекс: 411718 GENOM SU; Эл. почта: vkpm@vnigen.msk.su;

6009

22 декабря 98

## СПРАВКА

Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов  
(ВКПМ), ГНИИ Генетика

приняла на национальное патентное депонирование  
08 декабря 1998 года

культуру *Escherichia coli* NZ10 (pUC21)

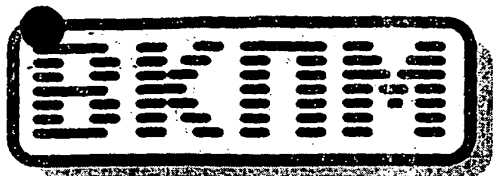
Продукт, синтезируемый штаммом:

гомосерин

Депозитор: ГосНИИгенетика



КОЛЛЕКЦИОННЫЙ НОМЕР ВКПМ В-7685



# Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов

[ ] Россия, Москва, 113545, 1-ый Дорожный проезд, 1, ГНИИ Генетика - ВКПМ;  
т: (095) 3151210; факс: (095) 3150501; телекс: 411718 GENOM SU; Эл. почта: vkpm@vnigen.msk.su;

6009

22 декабря 98

## СПРАВКА

**Всероссийская Коллекция Промышленных Микроорганизмов  
(ВКПМ), ГНИИ Генетика**

**приняла на национальное патентное депонирование  
08 декабря 1998 года**

**культуру Escherichia coli MG 442 (pRHTC)**

**Продукт, синтезируемый штаммом: гомосерин, треонин**

**Депозитор: ГосНИИ Генетика**



Зав. ВКПМ

**КОЛЛЕКЦИОННЫЙ НОМЕР ВКПМ В-7700**

Appendix 3  
page 14  
Budapest treaty on the international  
recognition of the deposit of microorganisms  
for the purposes of patent procedure

Jc511 U.S. PTO  
09/466935



To  
State Scientific Centre of  
Russian Federation  
GNIIGENETIKA  
Moscow 113545  
1-st Dorozhny proezd 1 Russia  
name and address  
of depositor

INTERNATIONAL FORM  
receipt in the case of an original deposit  
issued pursuant to Rule 7.1 by the  
INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY  
identified at the bottom of this page

I. IDENTIFICATION OF THE MICROORGANISM

Identification reference given by the  
DEPOSITOR

Escherichia coli MG442 (vic40) (pRHTC)

Accession number given by the  
INTERNATIONAL DEPOSITARY-  
AUTHORITY:  
VKPM B-7680

II. SCIENTIFIC DESCRIPTION AND/OR PROPOSED TAXONOMIC DESIGNATION

The microorganism identified under I above was accompanied by:

  x   a scientific description                      Producer of threonine

       a proposed taxonomic designation  
(Mark with a cross where applicable)

III. RECEIPT AND ACCEPTANCE

This International Depositary Authority accepts the microorganism identified under I above,  
1 which was received by it on 08.12.1998                      (date of original deposit)

IV. RECEIPT OF REQUEST FOR CONVERSION

The microorganism identified under I above was received by this International Depositary  
Authority  
on                      (date of original deposit) and a request to convert  
the  
original deposit to a deposit under the Budapest Treaty was received by it on  
(date of receipt of request for conversion)

V. INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY

Name: Russian National Collection  
of Industrial Microorganisms (VKPM)  
Depositary  
GNIIGenetika  
Address: Russia 113545 Moscow  
1 Dorozhny proezd 1

Signature (s) of person(s) having the  
power to represent the International

Authority or authorized official(s):  
Date: Sineoky S.P.

1 Where Rule 6.4(d) applies, such date is the date on which the status of international  
depositary authority was acquired

Appendix 3

page 14

Budapest treaty on the international  
recognition of the deposit of microorganisms  
for the purposes of patent procedure

To  
State Scientific Centre of  
Russian Federation  
GNIIGENETIKA  
Moscow 113545  
1-st Dorozhny proezd 1 Russia  
name and address  
of depositor

INTERNATIONAL FORM  
receipt in the case of an original deposit  
issued pursuant to Rule 7.1 by the  
INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY  
identified at the bottom of this page

I. IDENTIFICATION OF THE MICROORGANISM

Identification reference given by the DEPOSITOR	Accession number given by the INTERNATIONAL DEPOSITARY- AUTHORITY:
Escherichia coli NZ10 (pRHTC) (pRHTB)	VKPM B-7681

II. SCIENTIFIC DESCRIPTION AND/OR PROPOSED TAXONOMIC DESIGNATION

The microorganism identified under I above was accompanied by:

☒ a scientific description      Producer of homoserine  
  
☐ a proposed taxonomic designation  
(Mark with a cross where applicable)

III. RECEIPT AND ACCEPTANCE

This International Depositary Authority accepts the microorganism identified under I above,  
I which was received by it on 08.12.1998 (date of original deposit)

IV. RECEIPT OF REQUEST FOR CONVERSION

The microorganism identified under I above was received by this International Depositary  
Authority  
on (date of original deposit) and a request to convert  
the  
original deposit to a deposit under the Budapest Treaty was received by it on  
(date of receipt of request for conversion)

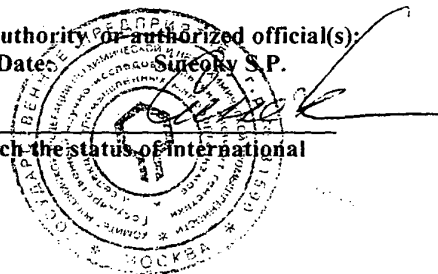
V. INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY

Name: Russian National Collection  
of Industrial Microorganisms (VKPM)  
Depositary  
GNIIGenetika  
Address: Russia 113545 Moscow  
1 Dorozhny proezd 1

Signature (s) of person(s) having the  
power to represent the International

Authority or authorized official(s):  
Date: Surechky S.P.

1 Where Rule 6.4(d) applies, such date is the date on which the status of International  
depositary authority was acquired



Budapest treaty on the international  
recognition of the deposit of microorganisms  
for the purposes of patent procedure

To  
State Scientific Centre of  
Russian Federation  
GNIIGENETIKA

Moscow 113545  
1-st Dorozhny proezd 1 Russia  
name and address  
of depositor

INTERNATIONAL FORM  
receipt in the case of an original deposit  
issued pursuant to Rule 7.1 by the  
INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY  
identified at the bottom of this page

#### I. IDENTIFICATION OF THE MICROORGANISM

Identification reference given by the  
DEPOSITOR

Escherichia coli NZ10 (pRHTBC)

Accession number given by the  
INTERNATIONAL DEPOSITARY-  
AUTHORITY:  
VKPM B-7682

#### II. SCIENTIFIC DESCRIPTION AND/OR PROPOSED TAXONOMIC DESIGNATION

The microorganism identified under I above was accompanied by:

☒ a scientific description      Producer of homoserine

☐ a proposed taxonomic designation  
(Mark with a cross where applicable)

#### III. RECEIPT AND ACCEPTANCE

This International Depositary Authority accepts the microorganism identified under I above,  
1 which was received by it on 08.12.1998 (date of original deposit)

#### IV. RECEIPT OF REQUEST FOR CONVERSION

The microorganism identified under I above was received by this International Depositary  
Authority on (date of original deposit) and a request to convert  
the original deposit to a deposit under the Budapest Treaty was received by it on  
(date of receipt of request for conversion)

#### V. INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY

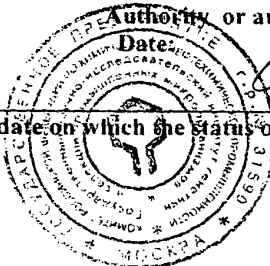
Name: Russian National Collection  
of Industrial Microorganisms (VKPM)  
Depositary  
GNIIGenetika  
Address: Russia 113545 Moscow  
1 Dorozhny proezd 1

Signature (s) of person(s) having the  
power to represent the International

Authority or authorized official(s):

Date: Singoky S.P.

1 Where Rule 6.4(d) applies, such date is the date on which the status of international  
depositary authority was acquired





**Budapest treaty on the international  
recognition of the deposit of microorganisms  
for the purposes of patent procedure**

To  
State Scientific Centre of  
Russian Federation  
GNIIGENETIKA  
.  
Moscow 113545  
!-st Dorozhny proezd 1 Russia  
name and address  
of depositor

**INTERNATIONAL FORM**  
receipt in the case of an original deposit  
issued pursuant to Rule 7.1 by the  
**INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY**  
identified at the bottom of this page

**I. IDENTIFICATION OF THE MICROORGANISM**

Identification reference given by the <b>DEPOSITOR</b>	Accession number given by the <b>INTERNATIONAL DEPOSITARY- AUTHORITY:</b>
Escherichia coli NZ10 (pRHTB)	VKPM B-7683

**II. SCIENTIFIC DESCRIPTION AND/OR PROPOSED TAXONOMIC DESIGNATION**

The microorganism identified under I above was accompanied by:

  x   a scientific description                      Producer of homoserine

       a proposed taxonomic designation  
(Mark with a cross where applicable)

**III. RECEIPT AND ACCEPTANCE**

This International Depositary Authority accepts the microorganism identified under I above,  
1 which was received by it on 08.12.1998 (date of original deposit)

**IV. RECEIPT OF REQUEST FOR CONVERSION**

The microorganism identified under I above was received by this International Depositary  
Authority  
on (date of original deposit) and a request to convert  
the  
original deposit to a deposit under the Budapest Treaty was received by it on  
(date of receipt of request for conversion)

**V. INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY**

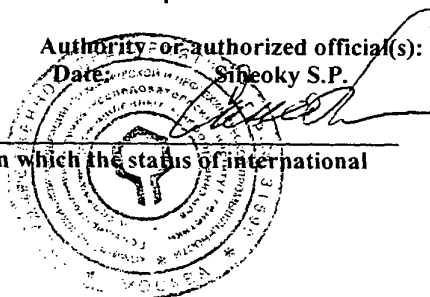
Name: Russian National Collection  
of Industrial Microorganisms (VKPM)  
Depositary  
GNIIGenetika  
Address: Russia 113545 Moscow  
1 Dorozhny proezd 1

Signature (s) of person(s) having the  
power to represent the International

Authority or authorized official(s):

Date: Sineoky S.P.

1 Where Rule 6.4(d) applies, such date is the date on which the status of international  
depositary authority was acquired



Appendix 3  
page 14  
Budapest treaty on the international  
recognition of the deposit of microorganisms  
for the purposes of patent procedure

To  
State Scientific Centre of  
Russian Federation  
GNIIGENETIKA  
Moscow 113545  
1-st Dorozhny proezd 1 Russia  
name and address  
of depositor

INTERNATIONAL FORM  
receipt in the case of an original deposit  
issued pursuant to Rule 7.1 by the  
INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY  
identified at the bottom of this page

I. IDENTIFICATION OF THE MICROORGANISM

Identification reference given by the DEPOSITOR	Accession number given by the INTERNATIONAL DEPOSITARY- AUTHORITY:
Escherichia coli NZ10 (pRHTC)	VKPM B-7684

II. SCIENTIFIC DESCRIPTION AND/OR PROPOSED TAXONOMIC DESIGNATION

The microorganism identified under I above was accompanied by:

☒ a scientific description      Producer of homoserine  
  
☐ a proposed taxonomic designation  
(Mark with a cross where applicable)

III. RECEIPT AND ACCEPTANCE

This International Depositary Authority accepts the microorganism identified under I above,  
which was received by it on 08.12.1998 (date of original deposit)

IV. RECEIPT OF REQUEST FOR CONVERSION

The microorganism identified under I above was received by this International Depositary  
Authority  
on (date of original deposit) and a request to convert  
the  
original deposit to a deposit under the Budapest Treaty was received by it on  
(date of receipt of request for conversion)

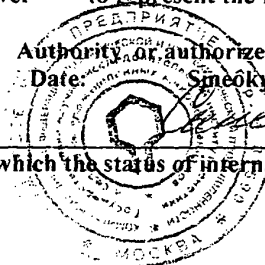
V. INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY

Name: Russian National Collection  
of Industrial Microorganisms (VKPM)  
Depositary  
GNIIGenetika  
Address: Russia 113545 Moscow  
1 Dorozhny proezd 1

Signature (s) of person(s) having the  
power to represent the International

Authority or authorized official(s):  
Date: Smeokiy S.P.

1 Where Rule 6.4(d) applies, such date is the date on which the status of international  
depositary authority was acquired



Appendix 3

page 14

Budapest treaty on the international  
recognition of the deposit of microorganisms  
for the purposes of patent procedure

To  
State Scientific Centre of  
Russian Federation  
GNIIGENETIKA  
Moscow 113545  
1-st Dorozhny proezd 1 Russia  
name and address  
of depositor

INTERNATIONAL FORM  
receipt in the case of an original deposit  
issued pursuant to Rule 7.1 by the  
INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY  
identified at the bottom of this page

I. IDENTIFICATION OF THE MICROORGANISM

Identification reference given by the DEPOSITOR	Accession number given by the INTERNATIONAL DEPOSITARY- AUTHORITY:
Escherichia coli NZ10 (pUC21)	VKPM B-7685

II. SCIENTIFIC DESCRIPTION AND/OR PROPOSED TAXONOMIC DESIGNATION

The microorganism identified under I above was accompanied by:

☒ a scientific description      Producer of homoserine

☐ a proposed taxonomic designation  
(Mark with a cross where applicable)

III. RECEIPT AND ACCEPTANCE

This International Depositary Authority accepts the microorganism identified under I above,  
which was received by it on 08.12.1998 (date of original deposit)

IV. RECEIPT OF REQUEST FOR CONVERSION

The microorganism identified under I above was received by this International Depositary  
Authority  
on (date of original deposit) and a request to convert  
the  
original deposit to a deposit under the Budapest Treaty was received by it on  
(date of receipt of request for conversion)

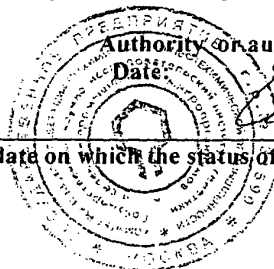
V. INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY

Name: Russian National Collection  
of Industrial Microorganisms (VKPM)  
Depositary  
GNIIGenetika  
Address: Russia 113545 Moscow  
1 Dorozhny proezd 1

Signature (s) of person(s) having the  
power to represent the International

Authority or authorized official(s):  
Date Sineoky S.P.

I Where Rule 6.4(d) applies, such date is the date on which the status of international  
depositary authority was acquired



Appendix 3  
page 14  
Budapest treaty on the international  
recognition of the deposit of microorganisms  
for the purposes of patent procedure

To  
State Scientific Centre of  
Russian Federation  
GNIIGENETIKA  
Moscow 113545  
1-st Dorozhny proezd 1 Russia  
name and address  
of depositor

INTERNATIONAL FORM  
receipt in the case of an original deposit  
issued pursuant to Rule 7.1 by the  
INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY  
identified at the bottom of this page

I. IDENTIFICATION OF THE MICROORGANISM

Identification reference given by the DEPOSITOR	Accession number given by the INTERNATIONAL DEPOSITARY- AUTHORITY:
Escherichia coli MG442 (pRHTC)	VKPM B-7700

II. SCIENTIFIC DESCRIPTION AND/OR PROPOSED TAXONOMIC DESIGNATION

The microorganism identified under I above was accompanied by:

☒ a scientific description      Producer of threonine, homoserine  
☐ a proposed taxonomic designation  
(Mark with a cross where applicable)

III. RECEIPT AND ACCEPTANCE

This International Depositary Authority accepts the microorganism identified under I above,  
1 which was received by it on 08.12.1998 (date of original deposit)

IV. RECEIPT OF REQUEST FOR CONVERSION

The microorganism identified under I above was received by this International Depositary  
Authority on (date of original deposit) and a request to convert  
the original deposit to a deposit under the Budapest Treaty was received by it on  
(date of receipt of request for conversion)

V. INTERNATIONAL DEPOSITARY AUTHORITY

Name: Russian National Collection  
of Industrial Microorganisms (VKPM)  
Depositary  
GNIIGenetika  
Address: Russia 113545 Moscow  
1 Dorozhny proezd 1

Signature (s) of person(s) having the  
power to represent the International

Authority or authorized official(s):

Sineoky S.P.

1 Where Rule 6.4(d) applies, such date is the date on which the status of international  
depositary authority was acquired

